

NCI-H23 (人肺癌细胞)

细胞基本信息

产品货号	AW-CCH294
产品规格	1×10 ⁶ cells
包装规格	T25 培养瓶/1ml 冻存管
细胞形态	上皮细胞样，贴壁生长
来源	肺癌；非小细胞肺癌
培养条件	1640+10%FBS+1%P/S+1%L-谷氨酰胺+1%丙酮酸钠 空气，95%；二氧化碳，5% 37°C
细胞描述	该细胞源于一位51岁患有非小细胞肺癌黑人男性患者的治疗前的肿瘤组织，表达C-myc、L-myc、v-src、v-abl、v-erb B、c-raf 1、Ha-ras、Ki-ras、N-ras RNAs；该细胞携带K-ras 12突变；p53基因246位密码子突变ATC→ATG；表达PDGF A和B链的异源mRNA；表达TGFα、TGFβ和EGFR；角蛋白5、8和18阳性，波形蛋白阳性，神经丝蛋白阴性，左旋多巴脱氢酶阴性；据报道，在软琼脂中该细胞形成克隆的效率为9.7%。

仅供科研使用，不可用于临床诊断和治疗。

售后服务告知书

1、收到细胞

1) 收到细胞后，活细胞首先观察培养瓶是否完好，培养液是否漏液，培养基是否浑浊；冻存细胞是否干冰已挥发完，冻存管盖是否脱落，破碎，若有这类情况，请务必拍照记录，并于收货 24h 内与我们联系。

2) 细胞处理：

复苏的细胞：如果是 T-25 培养瓶活细胞，收到后请用 75%的酒精对培养瓶表面进行消毒处理，然后转入培养箱中静置 2~3h 后再进行后续处理。

备注：运输用的培养基不宜再次用来培养细胞，请按照说明书新配置完全培养基来培养细胞。

冻存细胞：如果是干冰运输的冻存细胞，收到后请立即转入液氮存储或者短暂（24h）放置-80 度冰箱保存，或者直接进行细胞复苏。

2、细胞出现问题，可以重发的情况有哪些？

- 1) 细胞运输过程中的各种问题，比如细胞丢失，培养基漏液，培养瓶破碎等，重发；
- 2) 细胞污染问题，请在收到细胞 **48h 内**，联系我们，并提供真实的图片及结果，核实后重发；
- 3) 细胞活力问题，活细胞培养 **24h**，干冰冻存发货的细胞复苏后 **24h**，绝大多数细胞未存活，重发；
- 4) **1 周内**出现问题，并提供收到细胞前 3 天细胞拍照记录，期间与销售人员进行沟通反馈情况的，由技术人员判断为我方责任的，重发；技术人员判断为双方共同承担责任的，由双方进行协商处理或者按照合同价的 50%收费重发；
- 5) **1 周以后**，细胞出现问题或者污染，可以申请合同价 50%再发一瓶。

3、细胞出现问题，不予重发的情况有哪些？

- 1) 客户操作不当导致细胞污染，不重发；**1周内**可以申请合同价**50%**再发一瓶；
- 2) 客户未按照推荐培养基培养，导致细胞状态不好，不重发；
- 3) 细胞状态不好，收到细胞**3天内**，未告知，不重发；
- 4) 视具体情况而定。

发表[中文论文]请标注：NCI-H23（AW-CCH294）由艾碧维生物科技有限公司提供；
发表[英文论文]请标注：NCI-H23（AW-CCH294）were provided by *Abiowell Biotechnology Co., Ltd.*

细胞复苏、传代及冻存流程参考

1、细胞复苏

- 1) 配制完全培养基：基础培养基+胎牛血清+双抗（特殊培养基特殊配置）；
- 2) 细胞复苏：取 5ml 完全培养基于 15ml 离心管中，37°C 水浴锅预热，从液氮管（或者 -80 度冰箱）中快速取出冻存的细胞，放入 37°C 水浴锅中，摇晃使快速化冻（1min 左右），然后将化冻的细胞和预热的培养基，移入超净工作台中，化冻的细胞加入到含预热培养基的 15ml 离心管中，1000rpm 离心 5min；
- 3) 吸弃上清，得到细胞沉淀，用 2ml 完全培养基轻轻重悬细胞，加入到 T25 培养瓶中，做好标记，放入 37°C，5%CO₂ 饱和适度培养箱中培养（培养皿复苏效果更好）；
- 4) 24h 后，观察细胞贴壁情况（未贴壁的即为死细胞--针对贴壁细胞），吸弃旧培养基，加入新鲜的预热（室温或 37°C）的完全培养基，继续培养。

2、细胞传代

- 1) 待细胞生长到 80%-90% 汇合度时，吸弃旧的培养基，加入 1ml 无菌 PBS 润洗一次，以去除残余的培养基及血清（血清含有胰酶的抑制因子），然后加入 1ml 0.25% 胰酶，37°C 培养箱中消化（1~2min 左右，不同细胞消化时间不同），取出细胞，镜下观察细胞至细胞皱缩变圆；
- 2) 加入 1ml 完全培养基（含 FBS）终止消化，轻轻拍打，使细胞脱落下来成单个细胞悬液，收集细胞于 15ml 无菌离心管中，1000rpm，离心 5min；
- 3) 收集细胞沉淀，完全培养基重悬，一分为二（可根据细胞生长速度调整比例），分别加入到 2 个新的培养瓶中，做好标记，放入培养箱中培养。

3、细胞冻存

- 1) 按照细胞传代方法，在超净工作台内消化收集细胞沉淀，取少量细胞用于计数；
- 2) 用预冷的 1ml 冻存液（90% 完全培养基+10% DMSO）或者无血清细胞冻存液重悬细胞，加入到 1.2ml 冻存管中，密度为 1×10^6 个/ml。
- 3) 放入程序冻存盒，-80°C 过夜后，转入液氮长期保存。

STR 检测结果

(一) 检验基本情况

多等位基因	匹配细胞系	细胞库	EV值	匹配说明
有	NCI-H23 [H23]	DSMZ	1.0	完全匹配

- 多等位基因指三等位及以上基因现象。
- 本次检测各细胞分型结果良好。

(二) 各样本描述

- 该株细胞DNA分型在细胞系检索中**找到完全匹配**的细胞系，DSMZ数据库显示细胞名为**NCI-H23 [H23]**，细胞号对应**CRL-5800**。本次检测在该细胞系中**发现多等位基因**。

备注：待测细胞系与收录于ATCC, DSMZ, JCRB 和 RIKEN数据库的细胞系STR数据进行比对，未收录于以上细胞库的细胞系将无法匹配。

EV	Cell No.	Cell name	Locus names									Figures
			D5S818	D13S317	D7S820	D16S539	VWA	TH01	AM	TPOX	CSF1PO	
		<i>Query (Your Cell)</i>	<i>12, 13</i>	<i>12, 12</i>	<i>9, 10</i>	<i>11, 11</i>	<i>16, 17</i>	<i>6, 6</i>	<i>X, X</i>	<i>8, 9</i>	<i>10, 10</i>	
1.00 (36/36)	CRL-5800	NCI-H23 [H23]	12, 13	12, 12	9, 10	11, 11	16, 17	6, 6	X, X	8, 9	10, 10	-
0.78 (28/36)	CRL-2553	Panc 02.03	12, 13	12, 12	9, 10	11, 11	17, 17	6, 6	X, X	9, 12	11, 12	-
0.72 (26/36)	254	BEN	12, 12	12, 12	12, 12	11, 11	15, 15	6, 6	X, X	8, 9	10, 10	-
0.72 (26/36)	JCRB9131	BE (2) H-17	12, 12	11, 11	9, 10	11, 11	17, 18	6, 6	X, X	8, 11	10, 10	-
0.67 (24/36)	CRL-1502	VS1	13, 13	12, 12	9, 10	10, 11	17, 18	8, 10	X, X	8, 9	10, 13	-

(三) 样本分型结果

细胞的STR位点和Amelogenin位点的基因分型结果						
Loci	送检细胞STR信息			细胞库细胞STR信息		
	送检细胞名: NCI-H23			细胞库细胞名: NCI-H23 [H23]		
	Allele1	Allele2	Allele3	Allele1	Allele2	Allele3
D5S818	12	13		12	13	
D13S317	12	12		12	12	
D7S820	9	10		9	10	
D16S539	11	11		11	11	
VWA	16	17		16	17	
TH01	6	6		6	6	
AMEL	X	X		X	X	
TPOX	8	9		8	9	
CSF1PO	10	10		10	10	
D12S391	15	17				
FGA	24	24				
D2S1338	18	23				
D21S11	30	32				
D18S51	13.2	14				
D8S1179	15	15				
D3S1358	15	15				
D6S1043	11	12				
PENTAE	7	17				
D19S433	12	14	16			
PENTAD	8	8				
D1S1656	14	14				

其他说明

(一) 分型方案及位点分布

	方案1	方案2	方案3	方案4
1	D3S1358	D8S1179	D19S433	AMEL
2	VWA	D21S11	TH01	D5S818
3	D7S820	D16S539	D13S317	D12S391
4	CSF1PO	D2S1338	TPOX	FGA
5	PENTAE	PENTAD	D18S51	
6			D6S1043	

实验方案及位点

(二) STR数据库比对

本公司采用DSMZ tools进行细胞系比对，其中包含来自于ATCC, DSMZ, JCRB 和 RIKEN数据库的2455个细胞系STR数据。如果待检测细胞未收录于以上细胞库或这是自行建立的新细胞系将无法进行比对，用户需根据细胞分型结果自行与其他数据库进行比对。